

# RIDA<sup>®</sup>SEEK

Ihre Auswertungs- und Dokumentationsassistentz  
Vorteile und Funktionen – kompakt



## Inhalt

Was ist RIDA <sup>®</sup> SEEK?	S. 02
Funktionen und Vorteile	S. 03
In 5 Schritten zum Ergebnis	S. 09
Bestätigung der Analyse	S. 10
Ihr Ansprechpartner	S. 12

# Was ist RIDA®SEEK?

RIDA®SEEK ist eine automatisierte Interpretationssoftware, die eine qualitative und/oder quantitative Interpretation der Ergebnisse aus Laborrohdaten ermöglicht.

Vorteile und Funktionen der RIDA®SEEK:

- Automatisierte Ergebnisinterpretation
- Qualitätsmanagement einfach gemacht  
z.B. Dokumentation der Läufe, Assay Lots  
und vieles mehr
- Kommunikation mit dem Laborinformationssystem (LIS)
- Anwendung mit vielen gängigen  
Cyclern möglich



## Automatische Interpretation

Markiert  
zweifelhafte  
Ergebnisse

- ▶ Ergebnisvorschlag  
(pos./neg.)
- ▶ Ct-Wert-Angabe
- ▶ Validität der  
Kontrollen



### Ihre Vorteile:

**Zeitersparnis** durch automatische Ergebnisinterpretation, da eine detaillierte Betrachtung der Kurven – insbesondere bei Multiplex-Assays – entfallen kann.

**Optimierung der Arbeitsprozesse** durch Vorschlag einer Befundung.

**Standardisierte Ergebnisinterpretation**, da der Algorithmus spezifisch für RIDA®GENE-Assays in Kombination mit dem Cycler trainiert wurde.

### Ihre Vorteile:

RIDA®SEEK **dokumentiert alle Ergebnisse** automatisch in einem umfassenden Report. Damit spart sie Ihnen nicht nur Zeit, sondern vermeidet auch manuelle Übertragungsfehler.

**Umfangreiches Qualitätsmanagement** durch ein Archiv-Modul und die Möglichkeit zur Rückverfolgbarkeit von Läufen, Assay Lots, Kontrollen etc. sowie ein Quality-Modul, um den Verlauf der Kontrollen zu überprüfen.

Archiv mit Informationen zu u.a. Läufen, Assay Lots, Kontrollen

## Qualitätsmanagement

Quality-Control-Modul mit Verlauf der Kontrollen

Zur Umsetzung einer Anbindung der Software an Ihr LIS kontaktieren Sie bitte Ihren LIS-Ansprechpartner.

## LIS-Anbindung möglich



### Ihre Vorteile:

**Vereinfachtes Datenmanagement** und **Fehlervermeidung** durch LIS-Anbindung im Vergleich zur manuellen Dateneingabe und Übertragung.

**Zeitersparnis** durch standardisierte Ergebnisberichte.

### Ihre Vorteile:

**Zeitersparnis** im Vergleich zur manuellen Dokumentation und **Fehlervermeidung** bei der Dateneingabe sowie bei der Übertragung. Die Arbeitsprozesse werden grundlegend vereinfacht.

Die Ergebnisse werden in einem Bericht zusammengefasst.

**Dokumentiert  
alles**

Der Berichtsumfang ist konfigurierbar.

**Intuitive  
Benutzer-  
oberfläche**



### Ihre Vorteile:

**Einfache Einarbeitung** neuer Mitarbeiter sowie **effiziente Nutzung der diagnostischen Geräte** durch übersichtliche Benutzeroberfläche bei Verwendung verschiedener Cycler.

**Ihre Vorteile:**

**Datensicherheit** – sensible Daten werden auf lokalem Server gespeichert, keine Cloud.

Alle Daten sind auf einem lokalen Server gespeichert.

**Daten-  
sicherheit**



# IN 5 SCHRITTEN ZUM ERGEBNIS

**Schritt 1:** Sie wählen in der Software den Testlauf aus und überprüfen die Plattenbelegung.



**Schritt 2:** Sie wählen Lot und ggf. Color-Compensation.



**Schritt 3:** Sie bestätigen die Analyse. Bei Bedarf können Sie sich die Kurve anzeigen lassen und die Entscheidung überprüfen.



**Schritt 4:** Sie geben die Analyse frei.



**Schritt 5:** Sie erhalten einen Abschlussreport und exportieren dann die Ergebnisse – direkt ins Laborinformationssystem!

**RIDA®SEEK** START ANALYSIS DEVICES ASSAYS QC ARCHIVE USERS SETTINGS HELP LOGOUT r-biopharm

Testrun LC4801 - RIDA®

DATA INPUTS RESULTS EXPORTS REPORTS REPORT VIEWER

Overview Resolve Details

Table filters

Result  Sample type

Res Well Sample Assay Cp values

Res	Well	Sample	Assay	Cp values
+	B2	Rota 10 <sup>-1</sup>	RIDA®GENE Viral Stool Panel II - VSPII	RotV2: 31.09, ICR: 28.41
+	B3	Rota 10 <sup>-2</sup>	RIDA®GENE Viral Stool Panel II - VSPII	RotV2: 29.82, ICR: 28.32
+	B4	Rota 10 <sup>-3</sup>	RIDA®GENE Viral Stool Panel II - VSPII	RotV2: 28.08, ICR: 28.33
+	B5	Rota 10 <sup>-4</sup>	RIDA®GENE Viral Stool Panel II - VSPII	RotV2: 25.43, ICR: 28.04
+	B6	Rota 10 <sup>-5</sup>	RIDA®GENE Viral Stool Panel II - VSPII	RotV2: 22.25, ICR: 27.78
-	B8	NTC	RIDA®GENE Viral Stool Panel II - VSPII	ICR: 28.42
+	B9	PTC	RIDA®GENE Viral Stool Panel II - VSPII	RotV2: 24.56, ICR: 27.11, AstV2: 27.63, AdvV2: 27.63
+	C2	Rota 10 <sup>-1</sup>	RIDA®GENE Viral Stool Panel II - VSPII	RotV2: 31.56, ICR: 28.40
+	C3	Rota 10 <sup>-2</sup>	RIDA®GENE Viral Stool Panel II - VSPII	RotV2: 29.90, ICR: 28.39
+	C4	Rota 10 <sup>-3</sup>	RIDA®GENE Viral Stool Panel II - VSPII	RotV2: 27.99, ICR: 28.28
+	C5	Rota 10 <sup>-4</sup>	RIDA®GENE Viral Stool Panel II - VSPII	RotV2: 25.25, ICR: 28.05
+	C6	Rota 10 <sup>-5</sup>	RIDA®GENE Viral Stool Panel II - VSPII	RotV2: 21.91, ICR: 27.82
+	C8	NTC	RIDA®GENE Viral Stool Panel II - VSPII	ICR: 28.36
+	C9	PTC	RIDA®GENE Viral Stool Panel II - VSPII	RotV2: 24.56, ICR: 27.12, AstV2: 27.62, AdvV2: 27.62
+	D2	Astro 10 <sup>-1</sup>	RIDA®GENE Viral Stool Panel II - VSPII	ICR: 28.33, AstV2: 30.74
+	D3	Astro 10 <sup>-2</sup>	RIDA®GENE Viral Stool Panel II - VSPII	ICR: 28.14, AstV2: 29.38

Amplification curves

Fluorescence

Cycle

Rotavirus ICR Astrovirus Adenovirus

- Select wells  
- Select assay  
- Select sample  
Reset filters Set filters

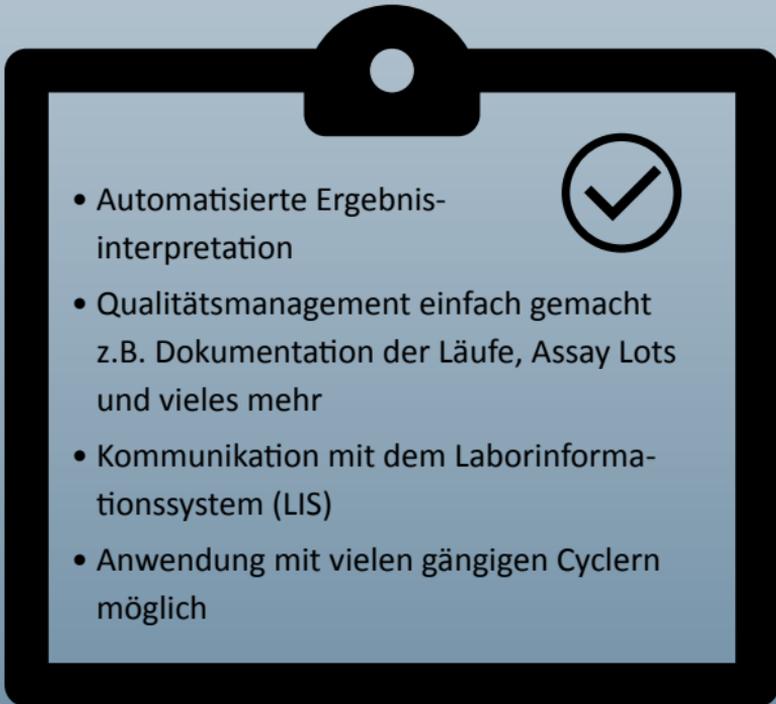
**Auszug aus der RIDA®SEEK-Software:  
– Schritt 3: Bestätigung der Analyse.**

Bei Bedarf können Sie sich die Kurve anzeigen lassen und die Entscheidung überprüfen.

r-biopharm®



# Fragen? Bitte sprechen Sie uns an!



**R-Biopharm**

An der Neuen Bergstraße 17 · 64297 Darmstadt

[www.r-biopharm.com](http://www.r-biopharm.com) · [mdx@r-biopharm.de](mailto:mdx@r-biopharm.de)