

## RIDA® GENE Factor V

**REF** PY1210



R-Biopharm AG, An der neuen Bergstrasse 17, 64297 Darmstadt, Alemanha

+49 (0) 61 51 81 02-0 / +49 (0) 61 51 81 02-20 / [www.r-biopharm.com](http://www.r-biopharm.com)



## 1. Uso previsto

Para diagnóstico *in vitro*. O kit RIDA®GENE Factor V usa um PCR em tempo real para detectar qualitativamente uma mutação pontual de G a A na posição 1691 no gene do fator V humano (mutação do fator V de Leiden) no DNA genômico que foi isolado de amostras de sangue total humano de EDTA.

O kit RIDA®GENE Factor V destina-se a apoiar o diagnóstico na avaliação de pacientes com suspeita de trombofilia.

## 2. Sumário e explicação do teste

As trombozes são um grande problema médico que aumenta com a idade. Cerca de 1 em cada 100.000 pessoas com menos de 40 anos desenvolvem trombose venosa. Esta probabilidade aumenta em pessoas com mais de 75 anos para 1 em cada 100 pessoas por ano<sup>(1)</sup>. O fator V de Leiden é considerado o fator genético mais comum que é descrito em combinação com o desenvolvimento do tromboembolismo venoso<sup>(2)</sup>. Neste caso, é uma mutação pontual no gene do fator V na posição 1691 que leva a uma troca de base de G para A. Como resultado, o local de ligação da proteína C ativada com efeito anticoagulante não está mais disponível (resistência APC), e o fator V é menos dividido em comparação com o tipo selvagem, o que resulta em um estado hipercoagulável<sup>(3)</sup>. O fator V Leiden é amplamente distribuído com alta prevalência na Europa e praticamente sem casos na Ásia ou na África<sup>(2)</sup>. A probabilidade de desenvolver trombose venosa é 3 a 8 vezes maior com uma mutação genética no gene do fator V se essa mutação for heterozigota. Para uma mutação homozigótica na posição 1691, a probabilidade aumenta de 10 a 80 vezes. Além disso, a chance de desenvolver trombose venosa em uma idade jovem também aumenta neste caso<sup>(2)</sup>. Se outros fatores, como uma mutação no gene do fator II (G20210A), estiverem presentes com essa mutação, o risco de trombozes recorrentes também aumenta<sup>(1)</sup>.

### 3. Princípio do teste

O kit RIDA®GENE Factor V usa um PCR em tempo real para detectar qualitativamente uma mutação pontual/polimorfismo de nucleotídeo único (SNP) de G a A na posição 1691 no gene do fator V humano (mutação do fator V de Leiden) no DNA genômico que foi isolado de amostras de sangue total humano de EDTA. Após o isolamento do DNA, o fragmento de gene específico (tipo selvagem ou mutação) é amplificado.

As sequências-alvo amplificadas são detectadas usando sondas de hidrólise que são etiquetadas com um supressor em uma extremidade e um corante de repórter fluorescente (fluoróforo) na outra. As sondas hibridam com o fragmento amplificado na presença de uma sequência-alvo. Durante a extensão, a **Taq-Polymerase** separa o repórter do supressor. O repórter emite um sinal fluorescente que é detectado pela unidade óptica de um instrumento de PCR em tempo real. O sinal fluorescente aumenta com a quantidade de fragmentos amplificados formados.

### 4. Reagentes fornecidos

Os reagentes no kit são suficientes para 100 determinações.

**Tabela 1:** Reagentes fornecidos

| Código do kit | Reagente       | Quantidade |         | Cor da tampa              |
|---------------|----------------|------------|---------|---------------------------|
| 1             | Reaction Mix   | 2 ×        | 1050 µL | amarelo, pronto para uso  |
| 2             | Taq-Polymerase | 1 ×        | 80 µL   | vermelho, pronto para uso |
| A             | Control A      | 1 ×        | 200 µL  | azul, pronto para uso     |
| B             | Control B      | 1 ×        | 200 µL  | verde, pronto a usar      |

## 5. Instruções de armazenamento

- Siga as diretrizes de manuseamento da Tabela 2 e guarde o kit diretamente após a utilização, de acordo com as informações especificadas.
- Todos os reagentes devem ser armazenados longe da luz a -20 °C e, se não abertos, podem ser usados até a data de validade impressa no rótulo. Nenhuma garantia de qualidade poderá ser assegurada após o término da data de validade.
- Todos os reagentes devem ser cuidadosamente descongelados antes do uso (por exemplo, em uma geladeira entre 2 - 8 °C).
- O congelamento/descongelamento repetidos até 20 vezes não afeta as propriedades do teste (se necessário, crie alíquotas após o primeiro descongelamento e recongele os reagentes imediatamente).
- Arrefecer todos os reagentes adequadamente durante a preparação do PCR (2 - 8 °C).

**Tabela 2:** Condições de armazenamento e informação

|         | Temperatura de armazenamento | Tempo máximo de armazenamento                  |
|---------|------------------------------|--|
| fechado | -20 °C                       | Pode ser usado até a data de validade impressa |
| aberto  | -20 °C                       | 20 ciclos de congelamento-descongelamento      |

## 6. Reagentes necessários, mas não fornecidos

### 6.1 Equipamento laboratorial

Os seguintes equipamentos são necessários para usar o kit RIDA®GENE Factor V:

| <b>Equipamentos</b>   |
|---|
| Plataforma de extração: Maxwell® RSC (Promega)  |
| Instrumentos de PCR em tempo real: <ul style="list-style-type: none"><li>• LightCycler® 480 II (Roche)</li><li>• Cobas z 480 Analyzer (Roche)</li><li>• Mx3005P (Agilent Technologies)</li><li>• ABI 7500 (Applied Biosystems)</li><li>• CFX96™ (Bio-Rad)</li></ul> |
| RIDA®GENE Color Compensation Kit IV (PG0004) (R-Biopharm) ao usar o LightCycler® 480 II e cobas z 480 Analyzer  |
| Consumíveis PCR em tempo real (placas (baixo perfil, poços brancos, armação transparente), tubos de ensaio, filmes)   |
| Centrífuga com rotor para placas  |
| Vortexer  |
| Pipetas (0,5 - 20 µL, 20 - 200 µL, 100 - 1000 µL)   |
| Pontas da pipeta com filtros  |
| Luvas descartáveis sem pó   |

Para perguntas sobre o uso de equipamentos para processamento automatizado, entre em contato com a R-Biopharm AG em [pcr@r-biopharm.de](mailto:pcr@r-biopharm.de).

## 7. Avisos e medidas preventivas para os usuários

Apenas para uso em Diagnóstico *in vitro*.

Esse teste deve ser realizado apenas por pessoal de laboratório qualificado. As diretrizes para trabalho em laboratórios médicos devem ser seguidas.

Ao realizar este teste, sempre siga estritamente o manual de operação.

Não pipete amostras ou reagentes usando a boca. Evite o contato com membranas mucosas e pele lesionada.

Utilize equipamentos de segurança pessoal (luvas adequadas, jaleco, óculos de segurança) ao manusear os reagentes e as amostras, e lave as mãos após concluir o teste.

Não fume, coma ou beba em áreas onde as amostras estiverem sendo manipuladas. Salas separadas, vestuário especial e instrumentos para extração, preparação de PCR, o PCR deve ser usado para evitar a contaminação cruzada e resultados falso-positivos.

Evite contaminar as amostras e componentes do kit com micróbios e nucleases (DNase/RNase).

As amostras clínicas devem ser vistas como potencialmente infecciosas e devem ser descartadas adequadamente, como todos os reagentes e materiais que entram em contato com amostras potencialmente infecciosas.

Não troque ou misture os componentes (Reaction Mix, Taq-Polymerase, Control A, Control B) de um lote de um kit com os componentes de outro lote.

Não use o kit após o prazo de validade. Os usuários são os responsáveis por descartar de modo adequado todos os reagentes e materiais após sua utilização.

Para o descarte, cumpra com os regulamentos nacionais.

Mais detalhes sobre as Folhas de Dados de Segurança (Safety Data Sheets, SDS) podem ser encontrados sob o número do item em <https://clinical.r-biopharm.com/search/>.

Para usuários na União Europeia: Comunicar todos os eventos adversos graves associados ao produto à R-Biopharm AG e às autoridades nacionais competentes.

## 8. Coleta e armazenamento de amostras

### 8.1 Armazenamento de amostras

Este teste foi desenvolvido para o exame de amostras de sangue total humano de EDTA. Armazene as amostras em temperatura ambiente por até 24 horas e entre 2 - 8 °C por até 72 horas até a extração do DNA<sup>(4)</sup>. Deve ser evitada a contaminação microbiana das amostras. A utilização de amostras inativadas pelo calor, lipêmicas, hemolíticas, icteríticas ou opacas podem levar a resultados falsos.

## 8.2 Preparo das amostras

### 8.2.1 Isolamento do DNA do sangue total de EDTA

Um kit de isolamento de DNA disponível comercialmente ou sistema de extração de DNA (por exemplo, Maxwell® RSC Instrument (Promega)) é recomendado para o isolamento de DNA de sangue total de EDTA. As instruções do fabricante devem ser observadas.

Ao usar o Maxwell® RSC Instrument (Promega), é recomendável misturar as amostras de sangue por pelo menos 5 minutos em temperatura ambiente. Adicione 30 µL de proteinase K a um tubo de ensaio de 2 mL para o preparo da amostra. Adicione 200 µL da amostra de sangue e 300 µL do tampão de lise. Misture no vórtice a solução por 10 segundos e incube a 56 °C por 20 minutos. Use 100 µL do tampão de eluição para a extração. Maiores instruções do fabricante devem ser observadas.

## 9. Realização do teste

### 9.1 Preparação da Mistura Principal

O número total de reações necessárias para a PCR (amostras e reações de controle) deve ser calculado. O Controle A e o Controle B devem ser executados durante cada execução de teste.

Recomenda-se acrescentar um volume adicional de 10 % à Mistura Principal a fim de compensar a perda da pipetagem (consulte a Tabela 3). Antes de usar, descongele a **Reaction Mix**, a **Taq-Polymerase**, o **Control A**, e o **Control B**, misture com vórtice (exceto a Taq-Polymerase) e centrifugue brevemente. Os reagentes devem ser sempre resfriados adequadamente durante as etapas de trabalho (2 - 8 °C).

**Tabela 3:** Exemplo para o cálculo e produção da Mistura Principal para 10 reações

| Código do kit | Componentes da Mistura Principal | Quantidade por reação | 10 reações (mais 10 %) |
|---------------|----------------------------------|-----------------------|------------------------|
| 1             | <b>Reaction Mix</b>              | 19,3 µL               | 212,3 µL               |
| 2             | <b>Taq-Polymerase</b>            | 0,7 µL                | 7,7 µL                 |
|               | <b>Total</b>                     | <b>20 µL</b>          | <b>220 µL</b>          |

Misture a mistura principal e depois centrifugue por pouco tempo.

## 9.2 Preparação da mistura de PCR

Pipete 20 µL da mistura principal em cada tubo de ensaio (placas).

**Amostras:** Adicione 5 µL de eluato a cada mistura principal pré-pipetada.

**Controles:** Adicione 5 µL de Control A a cada mistura principal pré-pipetada.

Adicione 5 µL de Control B a cada mistura principal pré-pipetada.

Selar as placas, centrifugar brevemente em velocidade lenta e transferir para o instrumento de PCR em tempo real. Inicie o PCR de acordo com a configuração do instrumento de PCR (consulte a Tabela 4, Tabela 5).

## 9.3 Configuração do instrumento de PCR

### 9.3.1 Perfil de PCR em tempo real universal

Para harmonizar os ensaios RIDA®GENE, o kit RIDA®GENE Factor V foi verificado no perfil universal. Isto torna possível combinar os ensaios de DNA e RNA um com o outro. A transcrição inversa, portanto, vem em primeiro lugar no perfil universal.

**Tabela 4:** Perfil de PCR em tempo real universal para LightCycler® 480 II e cobas z 480 Analyzer

|   |               |
|---|---------------|
| <u>Transcrição reversa</u>                              | 10 min, 58 °C |
| Desnaturação inicial                                    | 1 min, 95 °C  |
| Ciclos  | 45 ciclos     |
| <u>PCR</u> Desnaturação                                 | 10 s, 95 °C   |
| Recozimento/extensão                                    | 15 s, 60 °C   |
| Índice da temperatura de transição/<br>índice de subida | Tempo máximo  |

**Nota:** O recozimento e a extensão acontecem na mesma etapa.



**Tabela 5:** Perfil de PCR em tempo real universal para Mx3005P, ABI 7500, e CFX96™

|   |               |
|---|---------------|
| <u>Transcrição reversa</u>                              | 10 min, 58 °C |
| Desnaturação inicial                                    | 1 min, 95 °C  |
| Ciclos  | 45 ciclos     |
| <u>PCR</u> Desnaturação                                 | 15 s, 95 °C   |
| Recozimento/extensão                                    | 30 s, 60 °C   |
| Índice da temperatura de transição/<br>índice de subida | Tempo máximo  |

**Nota:** O recozimento e a extensão acontecem na mesma etapa.

#### 9.4 Configuração do canal de detecção

**Tabela 6:** Seleção dos canais de detecção adequados

| Instrumento de PCR em tempo real | Deteção          | Canal de deteção | Comentário   |
|----------------------------------|------------------|------------------|--|
| Roche LightCycler® 480 II        | Fator V t. selv. | 465/510          | É necessário o RIDA®GENE Color Compensation Kit IV (PG0004). |
|                                  | Mutação          | 533/580          |  |
| Roche cobas z 480 Analyzer       | Fator V t. selv. | 465/510          | É necessário o RIDA®GENE Color Compensation Kit IV (PG0004). |
|                                  | Mutação          | 540/580          |  |
| Agilent Technologies Mx3005P     | Fator V t. selv. | FAM              | -  |
|                                  | Mutação          | HEX              |  |
| Applied Biosystems ABI 7500      | Fator V t. selv. | FAM              | Defina o corante de referência passiva ROX como nenhum.      |
|                                  | Mutação          | VIC              |  |
| Bio-Rad CFX96™                   | Fator V t. selv. | FAM              | -  |
|                                  | Mutação          | HEX              |  |

## 10. Controle de qualidade – indicação de instabilidade ou expiração de reagentes

As amostras são avaliadas usando o software de análise do instrumento de PCR em tempo real, de acordo com as instruções do fabricante. **Control A** e **Control B** devem mostrar os resultados corretos (consulte Tabela 7).

**Tabela 7:** Uma execução de PCR válida deve atender às seguintes condições:

| Amostra   | FAM | VIC | Gene-alvo Ct               |
|-----------|-----|-----|----------------------------|
| Control A | +   | -   | Ver Certificado de Análise |
| Control B | -   | +   | Ver Certificado de Análise |

\* + = positivo  
- = negativo

Se os dois controles, **Control A** e **Control B**, não estiverem de acordo com as especificações, repita toda a execução do PCR. Se os valores especificados não forem atingidos, verifique os seguintes itens antes de repetir o teste:

- Data de validade dos reagentes utilizados
- Funcionalidade do equipamento que está sendo utilizado
- Execução correta do teste

Se as condições ainda não tiverem sido cumpridas após a repetição do teste, consulte o fabricante ou o distribuidor R-Biopharm local.

## 11. Interpretação dos resultados

Os resultados da amostra são interpretados de acordo com a Tabela 8.

**Tabela 8:** Interpretação dos resultados\*

| Detecção de             |                 |  |
|-------------------------|-----------------|--|
| <i>Fator V t. selv.</i> | <i>Mutantes</i> | Resultado  |
| +                       | -               | <b>Fator V tipo selvagem (homozigótica) detectável</b>           |
| -                       | +               | <b>Fator V mutação na posição 1691 (homozigótica) detectável</b> |
| -                       | -               | <b>Sequência alvo não detectável, inválida</b>                   |
| +                       | +               | <b>Fenótipo heterozigótico</b>                                   |

\* + = positivo  
- = negativo

A execução do PCR não pode ser avaliada se os controles no sistema de detecção não apresentarem amplificações ou se nenhum dos canais alvo apresentar um resultado positivo. Toda a execução do PCR deve ser repetida.

A execução do PCR não pode ser avaliada se a amostra não exibir amplificação no sistema de detecção. Neste caso, o DNA não foi adicionado ou foi usado um DNA modelo inadequado (qualidade, inibidores de PCR). A amostra extraída deve ser reamplificada, ou o isolamento e a purificação da amostra devem ser melhorados.

## 12. Limitações do método

1. O kit RIDA®GENE Factor V detecta a posição 1691 e qualquer polimorfismo de nucleotídeo único (SNP) no gene do fator V humano (mutação do fator V de Leiden) de amostras de sangue total humano de EDTA. Uma conexão entre o nível do valor Ct determinado e a ocorrência de sintomas clínicos graves não pode ser derivada disso. Os resultados obtidos sempre devem ser interpretados em combinação com os sintomas clínicos como um todo.
2. O diagnóstico não deve ser baseado apenas no resultado da análise biológica molecular, mas deve sempre levar em conta a história médica e os sintomas do paciente.
3. Este teste é válido apenas para amostras de sangue total com EDTA.
4. A extração, o transporte, o armazenamento e o manuseio inadequados de amostras podem produzir resultados falso-negativos.
5. A presença de inibidores de PCR pode levar a resultados falsos negativos ou inválidos.
6. Este ensaio deve ser realizado em conformidade com o regulamento sobre Boas Práticas Laboratoriais (BPL). Os usuários devem seguir exatamente as instruções do fabricante ao realizar o teste.
7. A Lei de Diagnóstico Genético (GenDG) alemã exige uma explicação completa e consentimento por escrito dos pacientes para todas as análises genéticas de acordo com a GenDG.

## 13. Características de desempenho

### 13.1 Características de desempenho clínico

#### 13.1.1 Especificidade analítica

##### Substâncias interferentes

A presença de inibidores de PCR e de substâncias interferentes pode levar a resultados inválidos. Portanto, foram examinados os efeitos de várias substâncias que poderiam estar presentes nas amostras correspondentes devido à ocorrência generalizada.

As substâncias que poderiam potencialmente influenciar significativamente os resultados do teste foram examinadas inicialmente em altas concentrações (simulação do pior caso) em uma tela de interferência. Se uma potencial interferência foi encontrada nesta tela de interferência para uma substância examinada, foi estabelecida uma relação dose-efeito entre a concentração da substância em questão e a interferência.

Não foram encontradas nenhuma interferências para as substâncias listadas na Tabela 9.

**Tabela 9:** Substâncias potencialmente interferentes

| Substância potencialmente interferente            | Concentração |
|---|--------------|
| Frascos de 500 UI de Medunasal Heparin (Heparina) | 15 U/mL      |
| Colesterol  | 3 mg/mL      |
| Bilirrubina                                       | 0,1 mg/mL    |
| Hemoglobina                                       | 0,2 mg/mL    |
| K <sub>2</sub> EDTA                               | 1,8 mg/mL    |

### 13.1.2 Precisão

A precisão do kit Factor V foi determinada para os seguintes níveis de consideração.

Precisão *Intraensaio*: Determinação de cinco amostras de controle usando 20 réplicas, cada uma no LightCycler® 480 II sob condições idênticas.

Precisão *Interensaio*: Determinação de 5 amostras de controle em 20 execuções em duplicado em 10 dias de trabalho (2 execuções por dia) realizadas por dois técnicos diferentes em condições reprodutíveis.

Os testes de precisão *intra* e *interensaio* foram realizados utilizando três lotes diferentes.

Os dados de precisão foram obtidos utilizando cinco amostras de controle, bem como os controles pertencentes ao ensaio.

O coeficiente de variação máximo obtido das medições com o kit RIDA®GENE Factor V no LightCycler® 480 II foi de 1,37 %.

**Tabela 10:** Resultados da precisão do kit RIDA®GENE Factor V para 1691G.

| Valor médio Ct/CV | Intraensaio   |               |               | Interensaio   |               |               | Interlote        |        |
|-------------------|---------------|---------------|---------------|---------------|---------------|---------------|------------------|--------|
|                   | Lote 1 do kit | Lote 2 do kit | Lote 3 do kit | Lote 1 do kit | Lote 2 do kit | Lote 3 do kit | Lotes 1-3 do kit |        |
| 1                 | Ct            | 27,9          | 28,3          | 28,3          | 28,3          | 28,2          | 28,4             | 28,3   |
|                   | CV (%)        | 0,45 %        | 0,37 %        | 0,36 %        | 0,95 %        | 1,05 %        | 1,04 %           | 1,03 % |
| 2                 | Ct            | 23,3          | 23,6          | 23,6          | 23,5          | 23,4          | 23,6             | 23,5   |
|                   | CV (%)        | 0,38 %        | 0,28 %        | 0,19 %        | 1,07 %        | 1,37 %        | 1,25 %           | 1,24 % |
| 3                 | Ct            | 22,0          | 22,3          | 22,3          | 22,3          | 22,3          | 22,4             | 22,3   |
|                   | CV (%)        | 0,49 %        | 0,37 %        | 0,43 %        | 1,08 %        | 1,13 %        | 1,18 %           | 1,14 % |
| 4                 | Ct            | 20,8          | 21,0          | 21,0          | 21,0          | 21,0          | 21,1             | 21,1   |
|                   | CV (%)        | 0,43 %        | 0,44 %        | 0,51 %        | 1,19 %        | 1,26 %        | 1,31 %           | 1,27 % |
| 5                 | Ct            | neg.          | neg.          | neg.          | neg.          | neg.          | neg.             | neg.   |
|                   | CV (%)        | n/a           | n/a           | n/a           | n/a           | n/a           | n/a              | n/a    |

**Tabela 11:** Resultados da precisão do kit RIDA®GENE Factor V para 1691A.










| Valor médio Ct/CV | Intraensaio   |               |               | Interensaio   |               |               | Interlote        |
|-------------------|---------------|---------------|---------------|---------------|---------------|---------------|------------------|
|                   | Lote 1 do kit | Lote 2 do kit | Lote 3 do kit | Lote 1 do kit | Lote 2 do kit | Lote 3 do kit | Lotes 1-3 do kit |
| 1                 | Ct            | neg.          | neg.          | neg.          | neg.          | neg.          | neg.             |
|                   | CV (%)        | n/a           | n/a           | n/a           | n/a           | n/a           | n/a              |
| 2                 | Ct            | 24,2          | 24,2          | 24,2          | 24,2          | 24,5          | 24,6             |
|                   | CV (%)        | 0,53 %        | 0,65 %        | 0,73 %        | 1,01 %        | 0,86 %        | 0,73 %           |
| 3                 | Ct            | 23,1          | 23,1          | 23,2          | 23,0          | 23,4          | 23,5             |
|                   | CV (%)        | 0,67 %        | 0,58 %        | 0,75 %        | 0,76 %        | 0,98 %        | 1,02 %           |
| 4                 | Ct            | 21,8          | 21,8          | 21,8          | 21,7          | 22,0          | 22,1             |
|                   | CV (%)        | 0,73 %        | 0,63 %        | 0,65 %        | 0,76 %        | 0,77 %        | 0,88 %           |
| 5                 | Ct            | 28,8          | 28,9          | 28,8          | 28,7          | 29,1          | 29,1             |
|                   | CV (%)        | 0,39 %        | 0,72 %        | 0,41 %        | 0,56 %        | 0,77 %        | 0,92 %           |

#### 14. Histórico de versões





| Número da versão | Seção e designação |
|------------------|--------------------|
| 2022-03-08       | Versão da edição   |

## 15. Explicação dos símbolos

### Símbolos gerais

|   |                                  |
|---|----------------------------------|
|  | Para diagnóstico <i>in vitro</i> |
|  | Consulte o manual de operação    |
|  | Número do lote                   |
|  | Data de validade                 |
|  | Temperatura de armazenamento     |
|  | Número do item                   |
|  | Número de testes                 |
|  | Data de fabricação               |
|  | Fabricante                       |

### Símbolos específicos do teste

|   |                |
|---|----------------|
|   | Reaction Mix   |
|  | Taq Polymerase |
|  | Control A      |
|  | Control B      |

## 16. Referências

1. Zhang S, Taylor AK, Huang X, Luo B, Spector EB, Fang P, et al. Venous thromboembolism laboratory testing (factor V Leiden and factor II c.\*97G>A), 2018 update: a technical standard of the American College of Medical Genetics and Genomics (ACMG). *Genet Med.* 2018;20(12):1489-98.
2. Kujovich JL. Factor V Leiden thrombophilia. *Genet Med.* 2011;13(1):1-16.
3. Safavi-Abbasi S, Di Rocco F, Nakaji P, Feigl GC, Gharabaghi A, Samii M, et al. Thrombophilia Due to Factor V and Factor II Mutations and Formation of a Dural Arteriovenous Fistula: Case Report and Review of a Rare Entity. *Skull Base.* 2008;18(2):135-43.
4. Probenlagerung vor Extraktion: Clinical and Laboratory Standards Institute (CLSI). Collection, Transport, Preparation, and Storage of Specimens for Molecular Methods; Approved Guideline. CLSI document MM13-A, Vol. 24, N. 31, 2005