

RIDA®SEEK

Ihre Auswertungs- und Dokumentationsassistentz
Vorteile und Funktionen – kompakt



Inhalt

Was ist RIDA®SEEK?	S. 02
Funktionen und Vorteile	S. 03
In 5 Schritten zum Ergebnis	S. 09
Bestätigung der Analyse	S. 10
Ihr Ansprechpartner	S. 12

Was ist RIDA®SEEK?

RIDA®SEEK ist eine automatisierte Interpretationssoftware, die eine qualitative und/oder quantitative Interpretation der Ergebnisse aus Laborrohdaten ermöglicht.

Vorteile und Funktionen der RIDA®SEEK:

- Automatisierte Ergebnisinterpretation
- Qualitätsmanagement einfach gemacht
z.B. Dokumentation der Läufe, Assay Lots
und vieles mehr
- Kommunikation mit dem Laborinformationssystem (LIS)
- Anwendung mit vielen gängigen
Cyclern möglich



Automatische Interpretation

Markiert
zweifelhafte
Ergebnisse

- ▶ Ergebnisvorschlag
(pos./neg.)
- ▶ Ct-Wert-Angabe
- ▶ Validität der
Kontrollen



Ihre Vorteile:

Zeitersparnis durch automatische Ergebnisinterpretation, da eine detaillierte Betrachtung der Kurven – insbesondere bei Multiplex-Assays – entfallen kann.

Optimierung der Arbeitsprozesse durch Vorschlag einer Befundung.

Standardisierte Ergebnisinterpretation, da der Algorithmus spezifisch für RIDA®GENE-Assays in Kombination mit dem Cycler trainiert wurde.

Ihre Vorteile:

RIDA®SEEK **dokumentiert alle Ergebnisse** automatisch in einem umfassenden Report. Damit spart sie Ihnen nicht nur Zeit, sondern vermeidet auch manuelle Übertragungsfehler.

Umfangreiches Qualitätsmanagement durch ein Archiv-Modul und die Möglichkeit zur Rückverfolgbarkeit von Läufen, Assay Lots, Kontrollen etc. sowie ein Quality-Modul, um den Verlauf der Kontrollen zu überprüfen.

Archiv mit Informationen zu u.a. Läufen, Assay Lots, Kontrollen

Qualitätsmanagement

Quality-Control-Modul mit Verlauf der Kontrollen

Zur Umsetzung einer Anbindung der Software an Ihr LIS kontaktieren Sie bitte Ihren LIS-Ansprechpartner.

LIS-Anbindung möglich



Ihre Vorteile:

Vereinfachtes Datenmanagement und **Fehlervermeidung** durch LIS-Anbindung im Vergleich zur manuellen Dateneingabe und Übertragung.

Zeitersparnis durch standardisierte Ergebnisberichte.

Ihre Vorteile:

Zeitersparnis im Vergleich zur manuellen Dokumentation und **Fehlervermeidung** bei der Dateneingabe sowie bei der Übertragung. Die Arbeitsprozesse werden grundlegend vereinfacht.

Die Ergebnisse werden in einem Bericht zusammengefasst.

**Dokumentiert
alles**

Der Berichtsumfang ist konfigurierbar.

**Intuitive
Benutzer-
oberfläche**



Ihre Vorteile:

Einfache Einarbeitung neuer Mitarbeiter sowie **effiziente Nutzung der diagnostischen Geräte** durch übersichtliche Benutzeroberfläche bei Verwendung verschiedener Cycler.

Ihre Vorteile:

Datensicherheit – sensible Daten werden auf lokalem Server gespeichert, keine Cloud.

Alle Daten sind auf einem lokalen Server gespeichert.

**Daten-
sicherheit**



IN 5 SCHRITTEN ZUM ERGEBNIS

Schritt 1: Sie wählen in der Software den Testlauf aus und überprüfen die Plattenbelegung.



Schritt 2: Sie wählen Lot und ggf. Color-Compensation.



Schritt 3: Sie bestätigen die Analyse. Bei Bedarf können Sie sich die Kurve anzeigen lassen und die Entscheidung überprüfen.



Schritt 4: Sie geben die Analyse frei.



Schritt 5: Sie erhalten einen Abschlussreport und exportieren dann die Ergebnisse – direkt ins Laborinformationssystem!

RIDA®SEEK START ANALYSIS DEVICES ASSAYS QC ARCHIVE USERS SETTINGS HELP LOGOUT r-biopharm

Testrun LC4801 - RIDA®

DATA INPUTS RESULTS EXPORTS REPORTS REPORT VIEWER

Overview Resolve Details

Table filters

Result Sample type

Res Well Sample Assay Cp values

Res	Well	Sample	Assay	Cp values
+	B2	Rota 10 ⁻¹	RIDA®GENE Viral Stool Panel II - VSPII	RotV2: 31.09, ICR: 28.41
+	B3	Rota 10 ⁻²	RIDA®GENE Viral Stool Panel II - VSPII	RotV2: 29.82, ICR: 28.32
+	B4	Rota 10 ⁻³	RIDA®GENE Viral Stool Panel II - VSPII	RotV2: 28.08, ICR: 28.33
+	B5	Rota 10 ⁻⁴	RIDA®GENE Viral Stool Panel II - VSPII	RotV2: 25.43, ICR: 28.04
+	B6	Rota 10 ⁻⁵	RIDA®GENE Viral Stool Panel II - VSPII	RotV2: 22.25, ICR: 27.78
-	B8	NTC	RIDA®GENE Viral Stool Panel II - VSPII	ICR: 28.42
+	B9	PTC	RIDA®GENE Viral Stool Panel II - VSPII	RotV2: 24.56, ICR: 27.11, AdvV2: 27.43, A...
+	C2	Rota 10 ⁻¹	RIDA®GENE Viral Stool Panel II - VSPII	RotV2: 31.56, ICR: 28.40
+	C3	Rota 10 ⁻²	RIDA®GENE Viral Stool Panel II - VSPII	RotV2: 29.90, ICR: 28.39
+	C4	Rota 10 ⁻³	RIDA®GENE Viral Stool Panel II - VSPII	RotV2: 27.99, ICR: 28.28
+	C5	Rota 10 ⁻⁴	RIDA®GENE Viral Stool Panel II - VSPII	RotV2: 25.25, ICR: 28.05
+	C6	Rota 10 ⁻⁵	RIDA®GENE Viral Stool Panel II - VSPII	RotV2: 21.91, ICR: 27.82
+	C8	NTC	RIDA®GENE Viral Stool Panel II - VSPII	ICR: 28.36
+	C9	PTC	RIDA®GENE Viral Stool Panel II - VSPII	RotV2: 24.56, ICR: 27.12, AdvV2: 27.62, AdvV...
+	D2	Astro 10 ⁻¹	RIDA®GENE Viral Stool Panel II - VSPII	ICR: 28.33, AdvV2: 30.74
+	D3	Astro 10 ⁻²	RIDA®GENE Viral Stool Panel II - VSPII	ICR: 28.14, AdvV2: 29.38

Amplification curves

Fluorescence

Cycle

rotavirus ICR Adenovirus Astrovirus

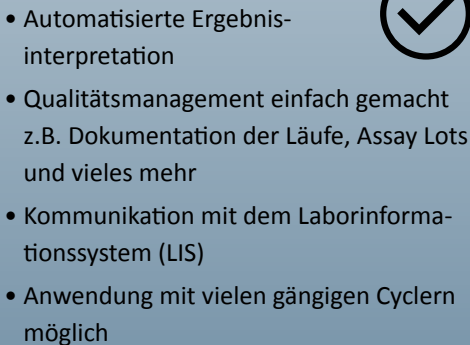
Auszug aus der RIDA®SEEK-Software:
– Schritt 3: Bestätigung der Analyse.

Bei Bedarf können Sie sich die Kurve anzeigen lassen und die Entscheidung überprüfen.

r-biopharm®



Fragen? Bitte sprechen Sie uns an!

- 
- Automatisierte Ergebnisinterpretation
 - Qualitätsmanagement einfach gemacht
z.B. Dokumentation der Läufe, Assay Lots
und vieles mehr
 - Kommunikation mit dem Laborinformationssystem (LIS)
 - Anwendung mit vielen gängigen Cyclern
möglich

R-Biopharm

An der Neuen Bergstraße 17 · 64297 Darmstadt

www.r-biopharm.com · mdx@r-biopharm.de